

Période

CDD de 1 an : Mars 2017 – Février 2018, reconductible

Lieu

Plateforme GeT-TRiX, Toulouse, France

Contexte

Le poste est à pourvoir sur le site TRiX de la plateforme technologique GeT et hébergé au sein de l'unité de recherche ToxAlim. Le plateau GeT-TRiX propose notamment un service d'analyses transcriptomiques « clé en main » par la technologie des puces à ADN (microarray) : du contrôle qualité des échantillons biologiques jusqu'à la réalisation d'analyses biostatistiques des données produites. Le plateau a mis en place un service d'analyse biostatistique de données transcriptomiques via l'utilisation de packages dédiés sous environnement R et en développant des scripts d'analyse afin de traiter les données ; depuis leur contrôle qualité jusqu'aux analyses différentielles, multivariées ou également d'enrichissement fonctionnel. En parallèle, le plateau souhaite développer une expertise dans l'analyse d'intégration de données multi « omiques ». Le/la candidat/e sera encadré par l'Ingénieur en traitement de données, également responsable du plateau. Il/elle aura pour mission de prendre en charge les analyses réalisées sur le plateau ainsi que la mise en place de nouvelles méthodes d'analyse de données « omiques ».

Missions

- **principale** : prendre en charge les analyses de données microarray pour les projets analysés sur le plateau (réalisation des analyses statistiques sous R et rédaction de rapports d'analyse)
- **complémentaires** :
 - mise en place de nouvelles méthodes d'analyses (sélection de variables, intégration « multi-omiques », exploration, correction de biais/valeurs aberrantes)
 - création d'un package R contenant les fonctions développées pour l'analyse de données microarray
 - conduite d'analyses bioinformatiques et biostatistiques de données RNAseq

Profil/compétences

- niveau Master 2
- biostatistiques : tests, analyses multivariées, tests multiples, intégration de données
- maîtrise de R : utilisation, développement de scripts/fonctions/packages
- connaissance du domaine (biologie, génomique, transcriptomique)
- bioinformatique : analyse de séquences (RNAseq), annotations, ...

Contact

Envoi de CV et lettre de candidature (jusqu'au 05/02/2017) par courriel à Yannick Lippi:
yannick.lippi@inra.fr ; get-trix@genotoul.fr

Plateau GeT-TRiX
ToxAlim UMR 1331 INRA/INP/UPS
180 chemin de Tournefeuille - BP 93173
31027 Toulouse Cedex 3
FRANCE
Téléphone: +33 (0)5 82 06 64 01

<http://get.genotoul.fr/>

<http://www6.toulouse.inra.fr/toxalim/Plateformes-Technologiques/E23-TRiX>